

B 包：染色体核型自动分析系统技术参数

序号	原参数	变更后参数
1	*3. 系统采用 B/S 架构，在医院授权的局域网内即可通过浏览器访问，无需安装特定客户端软件即可操作使用(需要提供有关 B/S 架构的软件著作权证)；	*3. 系统采用 B/S 架构，在医院授权的局域网内即可通过浏览器访问，无需安装特定客户端软件即可操作使用（需要提供相关证明材料）；
2	4. 系统采用 MongoDB 数据库系统，并且使用一主多从集群技术，保证数据安全(需要提供有关软件著作权证)；	4. 系统采用 MongoDB 数据库系统，并且使用一主多从集群技术，保证数据安全（需要提供相关证明材料）；
3	5. 系统采用 Seaweed 文件存储系统，系统内部使用备份功能，保证数据安全（需要提供有关软件著作权证）；	5. 系统采用 Seaweed 文件存储系统，系统内部使用备份功能，保证数据安全（需要提供相关证明材料）；
4	*9. 染色体中期图自动去噪，随体丢失率<1%（需提供独立第三方检验机构出具的具有 CMA 认证标志的检验报告）；自动清除染色体图像背景中杂质和污点，并能很好的保留随体与 mar；	*9. 染色体中期图自动去噪，随体丢失率<1%（需提供独立第三方检验机构出具的检验报告）；自动清除染色体图像背景中杂质和污点，并能很好的保留随体与 mar；
5	13. 异常病例检出率≥85%（需提供独立第三方检验机构出具的具有 CMA 认证标志的检验报告）；	13. 异常病例检出率≥85%（需提供独立第三方检验机构出具的检验报告）；
6	*14. 具有异常提示，常染色体、性染色体等数量异常提示，结构异常提示（需要提供相关软件著作权证）	*14. 具有异常提示，常染色体、性染色体等数量异常提示，结构异常提示（需要提供相关证明材料）；
7	20. 原位培养法染色体玻片中的细胞克隆体的精准分群，误识率<1%（需	20. 原位培养法染色体玻片中的细胞克隆体的精准分群，误识率<1%

	提供独立第三方检验机构出具的具有 CMA 认证标志的检验报告)；	(需提供独立第三方检验机构出具的检验报告)；
8	*21. 支持染色体模式图拼接,对模式图渲染不同条带颜色,可对任意条带切割,自动拼接后生成异常模式图。形象的模拟异常染色体,方便比对目标染色体,快速定位异常条带(需要提供有关软件著作权证及系统截图)；	*21. 支持染色体模式图拼接,对模式图渲染不同条带颜色,可对任意条带切割,自动拼接后生成异常模式图。形象的模拟异常染色体,方便比对目标染色体,快速定位异常条带(需要提供相关证明材料)；
9	*23. 提供染色体图像分析审核留痕功能,可查看图像分析和审核的过程记录,保证染色体核型分析结果的准确性和可靠性(需要提供有关软件著作权证)；	*23. 提供染色体图像分析审核留痕功能,可查看图像分析和审核的过程记录,保证染色体核型分析结果的准确性和可靠性(需要提供相关证明材料)；
10	增加参数29. 设备需与医院现有系统进行对接,由此产生的接口费用由成交人承担。	